

NOME PACIENTE
04/Janeiro/2024 - VG230000

GoYOU

VAGINAL

ANÁLISE DE MICROBIOMA VAGINAL



DESCRIÇÃO DO TESTE



O QUE É MICROBIOMA VAGINAL ?

O microbioma vaginal é um micro ecossistema dinâmico composto por bactérias, fungos, eventualmente vírus e protozoários. Esses micróbios podem proteger a vagina contra **infecções**, apoiam a **saúde da mucosa** vaginal e também podem contribuir para **gravidez saudável**. Ao contrário do microbioma intestinal, um microbioma vaginal saudável prospera com baixa diversidade microbiana e é tipicamente dominado por espécies de *Lactobacillus*. Como o nome indica, a principal função das espécies de *Lactobacillus* é produzir ácido lático, mantendo a acidez vaginal. As espécies de *Lactobacillus* também produzem bacteriocinas (compostos antimicrobianos) e ocupam as paredes vaginais para evitar que os micróbios indesejáveis prosperem. Esses mecanismos apoiam a saúde da mucosa, evitando secura, desconforto vaginal, corrimento anormal, coceira, dor, aumento do risco de infecção e outros efeitos adversos.

A presente análise não pode ser considerada um teste diagnóstico. É uma ferramenta de auxílio aos profissionais da saúde, possibilitando um atendimento individualizado de acordo com as necessidades específicas de cada indivíduo. Os dados contidos neste relatório necessitam de correlação clínica, laboratorial e radiológica para interpretação e uso na prática clínica.

**Procure um profissional da saúde para maiores informações
sobre como melhorar a sua saúde vaginal.**

INFORMAÇÕES TÉCNICAS

Metodologia

O DNA total foi extraído e purificado da amostra de swab recebida, e foram amplificados os genes marcadores 16S (para análise de **bactérias**) e ITS (para análise de **fungos** e **protozoários**). Os fragmentos de DNA amplificados foram então sequenciados na plataforma Illumina NextSeq, e as sequências analisadas com software Qiime2 para identificação dos microrganismos presentes e seus respectivos percentuais na mesma.

Estes resultados foram então comparados com a literatura para determinação de funções dos microrganismos encontrados, e com banco de dados interno da GoGenetic You, mais representativo da **população brasileira**. Estas potenciais funções dos microrganismos encontrados, e suas interrelações, são analisadas e convertidas em índices. Estes índices fornecem uma escala comparável da saúde vaginal, e indicam microrganismos com potencial para vaginoses e outros desequilíbrios.

SUA MICROBIOTA VAGINAL

SCORE
PROTETIVO

Muito Baixo



94%

Indica o percentual do seu microbioma constituído por microrganismos **benéficos**, que mantêm a saúde vaginal. Quanto mais alto seu score, melhor!

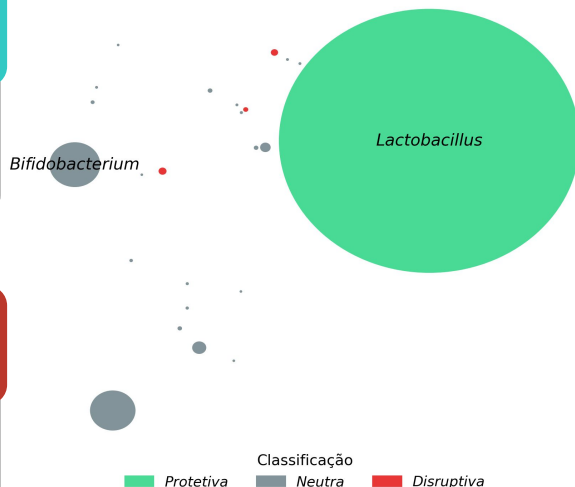
SCORE
DISRUPTIVO

Excelente



99%

Indica o percentual do seu microbioma constituído por microrganismos **inoportunos**, que prejudicam a saúde vaginal. Quanto mais baixo seu score, melhor!



PERFIL DE COMUNIDADE MICROBIANA VAGINAL (CST's)

Tipo 3

CST III

***Lactobacillus iners* dominante.**

Lactobacillus iners produz ácido L-lático, que pode ser menos protetor que o ácido D-lático e não contribui para um pH vaginal baixo tanto quanto as outras espécies *Lactobacillus*. Também foi associado com partos prematuros e processos pró-inflamatórios. Esses fatores podem danificar a mucosa vaginal. As mulheres com tipo III podem passar por transição para um estado de comunidade dominado por bactérias associadas à vaginose bacteriana. *L. iners* é particularmente sensível a mudanças ambientais e podem ser devido a perda de disponibilidade de glicogênio.

Seu nível de *Candida albicans* está muito alto.

ASSOCIAÇÕES DA SUA MICROBIOTA VAGINAL

Candidíase

Formação de biofilme

Vaginose bacteriana

Infecção por levedura

CONFIRA DISCLAIMER 1.1

MICROORGANISMOS INOPORTUNOS



DESCRIÇÃO

Buscamos por todos os patógenos descritos como **causadores de infecções vaginais**, além de microrganismos que influenciam negativamente a saúde vaginal.

Os resultados são reportados em abundância (%), juntamente com uma indicação de risco:

- AUSENTE** Normal na população
- MUITO BAIXO** Normal na população
- BAIXO** Seguir recomendações de modulação
- ALTO** Seguir recomendações de modulação
- MUITO ALTO** Se persistir ou surgirem sintomas de problemas vaginais, consultar médico
Consultar médico

ESPÉCIE	%	TAG
<i>Atopobium vaginae</i>	0.00	AUSENTE
<i>Bacteroides fragilis</i>	0.00	AUSENTE
<i>Candida albicans</i>	99.73	MUITO ALTO
<i>Candida dubliniensis</i>	0.00	AUSENTE
<i>Candida glabrata</i>	0.00	AUSENTE
<i>Candida krusei</i>	0.00	AUSENTE
<i>Candida lusitanae</i>	0.00	AUSENTE
<i>Candida parapsilosis</i>	0.00	AUSENTE
<i>Candida tropicalis</i>	0.00	AUSENTE
<i>Candida sp</i>	0.00	AUSENTE
<i>Chlamydia trachomatis</i>	0.00	AUSENTE
<i>Corynebacterium amycolatum</i>	0.00	AUSENTE
<i>Dialister</i>	0.00	AUSENTE
<i>Eggerthella</i>	0.00	AUSENTE
<i>Enterococcus faecalis</i>	0.00	AUSENTE
<i>Escherichia</i>	0.01	BAIXO

ESPÉCIE	%	TAG
<i>Fusobacterium nucleatum</i>	0.00	AUSENTE
<i>Gardnerella vaginalis</i>	0.00	AUSENTE
<i>Haemophilus ducreyi</i>	0.00	AUSENTE
<i>Klebsiella</i>	0.03	BAIXO
<i>Leptotrichia sp</i>	0.00	AUSENTE
<i>Megasphaera sp</i>	0.00	AUSENTE
<i>Mobiluncus sp</i>	0.00	AUSENTE
<i>Mycoplasma genitalium</i>	0.00	AUSENTE
<i>Mycoplasma hominis</i>	0.00	AUSENTE
<i>Neisseria gonorrhoeae</i>	0.00	AUSENTE
<i>Prevotella</i>	0.04	BAIXO
<i>Staphylococcus sp</i>	0.00	AUSENTE
<i>Streptococcus agalactiae</i>	0.00	AUSENTE
<i>Treponema pallidum</i>	0.00	AUSENTE
<i>Trichomonas vaginalis</i>	0.00	AUSENTE
<i>Ureaplasma sp</i>	0.00	AUSENTE

CONFIRA DISCLAIMER 1.2

SUGESTÕES PARA MODULAÇÃO



SUGESTÕES

Seu nível de *Candida* está alto. Suplementos orais de ácido caprílico tem demonstrado manter níveis saudáveis desta levedura, assim como os probióticos *Lactobacillus* e *Sacchromyces boulardii*. Supositórios de ácido bórico podem ajudar a quebrar biofilmes ligados *Candida*. O suplemento lactoferrina pode reduzir a disponibilidade de ferro, um nutriente indispensável para proliferação de *Candida*. Recomendações adicionais nutricionais: evite alto teor de açúcar, trigo e carboidratos refinados; consuma álcool e cafeína com moderação; consuma produtos lácteos fermentados, se tolerados.

Seu perfil de bactérias vaginais indica predisposição a desenvolver infecções por patógenos oportunistas, Vaginose bacteriana. Consulte seu ginecologista.

Seu nível de leveduras está acima do referencial saudável, podendo indicar uma infecção fúngica. Consulte seu ginecologista.

Diretrizes gerais:

Nutrientes específicos também estão associados a um microbioma vaginal saudável, como vitamina A, C, D, E, betacaroteno, cálcio, zinco e selênio. Esses nutrientes podem ser encontrados em frutas e vegetais amarelos e vermelhos, leite e ovos fortificados, nozes e sementes.

Pesquisas sugerem que o intestino atua como um reservatório microbiano para micróbios vaginais. Probióticos contendo bactérias produtoras de ácido láctico podem manter o pH vaginal ácido, e reduzir o crescimento de bactérias patogênicas. Os probióticos produtores de ácido láctico incluem: *B. coagulans*, *Saccharomyces boulardii*, *L. reuteri*, *L. rhamnosus*, *L. salivarius* e *L. acidophilus*. *B. subtilis* também pode promover um ambiente vaginal mais saudável ao diminuir a produção de citocinas inflamatórias.

CONFIRA DISCLAIMERS

LISTA BACTÉRIAS



Filo	Classe	Ordem	Família	Gênero	Espécie	%
Firmicutes	Bacilli	Lactobacillales	Lactobacillaceae	Lactobacillus	Lactobacillus iners	93,20
Actinobacteriota	Actinomycetia	Actinomycetales	Bifidobacteriaceae	Bifidobacterium	Bifidobacterium vaginae	2,26
Nitrospinota	UBA7883	UBA7883	JADGCD01	JADGCD01	JADGCD01 sp015229165	2,05
Firmicutes	Bacilli	Lactobacillales	Lactobacillaceae	Lactobacillus	Lactobacillus crispatus	1,70
Actinobacteriota	Actinomycetia	Actinomycetales	Bifidobacteriaceae	Bifidobacterium	-	0,31
Proteobacteria	Gammaproteobacteria	Enterobacterales	Enterobacteriaceae	Cronobacter	Cronobacter malonaticus	0,16
Proteobacteria	Gammaproteobacteria	Enterobacterales	Enterobacteriaceae	Rahnella	-	0,08
Bacteroidota	Bacteroidia	Bacteroidales	Bacteroidaceae	Prevotella	Prevotella bivia	0,04
Firmicutes	Bacilli	Lactobacillales	Lactobacillaceae	Lactobacillus	-	0,03
Proteobacteria	Gammaproteobacteria	Enterobacterales	Enterobacteriaceae	Klebsiella	-	0,03
Proteobacteria	Gammaproteobacteria	Enterobacterales	Enterobacteriaceae	Escherichia	-	0,01
Proteobacteria	Gammaproteobacteria	Enterobacterales	Enterobacteriaceae	Kosakonia	Kosakonia cowanii	0,01
Proteobacteria	Gammaproteobacteria	Burkholderiales	Methylophilaceae	Methylophilus	Methylophilus sp000525025	0,01
Proteobacteria	Gammaproteobacteria	Burkholderiales	Methylophilaceae	Methylotenera	Methylotenera sp000799735	0,00
Firmicutes	Clostridia	Oscillospirales	Ruminococcaceae	Faecalibacterium	Faecalibacterium prausnitzii	0,00
Bacteroidota	Bacteroidia	Flavobacteriales	Flavobacteriaceae	Imtechella	Imtechella halotolerans	0,00
Proteobacteria	Gammaproteobacteria	Enterobacterales	Enterobacteriaceae	Klebsiella	Klebsiella grimontii	0,003
Proteobacteria	Gammaproteobacteria	Enterobacterales	Enterobacteriaceae	-	-	0,00
Acidobacteria	Acidobacteriae	Acidobacteriales	Gp1-AA117	Gp1-AA17	Gp1-AA17 sp003223515	0,00
Firmicutes	Clostridia	Christensenellales	CAG-74	UBA11524	UBA11524 sp000437595	0,00

LISTA FUNGOS



Filo	Classe	Ordem	Família	Gênero	Espécie	%
Ascomycota	Saccharomycetes	Saccharomycetales	Saccharomycetales_fam_Incertae_sedis	Candida	Candida albicans	99,73
Ascomycota	Sordariomycetes	Hypocreales	Nectriaceae	Fusarium	Fusarium oxysporum	0,03
Ascomycota	Sordariomycetes	Magnaporthales	Magnaporthaceae	Magnaporthaceae_gen_Incertae_sedis	Magnaporthaceae sp	0,02
Ascomycota	Sordariomycetes	Xylariales	Amphisphaeriaceae	Microdochium	Microdochium poae	0,02
Ascomycota	Sordariomycetes	Hypocreales	Nectriaceae	Fusarium	Fusarium equiseti	0,02
Ascomycota	Sordariomycetes	Hypocreales	Nectriaceae	Fusarium	-	0,01
Ascomycota	Saccharomycetes	Saccharomycetales	Debaryomycetaceae	Debaryomyces	-	0,014254575
Mortierellomycota	Mortierellomycetes	Mortierellales	Mortierellaceae	Mortierella	Mortierella sp	0,01
Ascomycota	Sordariomycetes	Glomerellales	Plectosphaerellaceae	Plectosphaerella	Plectosphaerella sp	0,01
Ascomycota	Dothideomycetes	Capnodiales	Cladosporiaceae	Cladosporium	-	0,01
Ascomycota	Sordariomycetes	Sordariales	Chaetomiaceae	Humicola	Humicola repens	0,01
Basidiomycota	Microbotryomycetes	Sporidiobolales	Sporidiobolaceae	Rhodotorula	-	0,009
Ascomycota	Sordariomycetes	Sordariales	Sordariales_fam_Incertae_sedis	Cordana	Cordana sp	0,009
Ascomycota	Sordariomycetes	Magnaporthales	Magnaporthales_fam_Incertae_sedis	Magnaporthales_gen_Incertae_sedis	Magnaporthales sp	0,005
Ascomycota	Dothideomycetes	Pleosporales	Pleosporaceae	Alternaria	-	0,005
Ascomycota	Sordariomycetes	Sordariales	Sordariales_fam_Incertae_sedis	Staphylotrichum	Staphylotrichum boninense	0,005
Mucoromycota	Mucoromycetes	Mucorales	Cunninghamellaceae	Gongronella	Gongronella butleri	0,005
Ascomycota	Leotiomycetes	Thelebolales	Pseudeurotiaceae	Pseudeurotium	Pseudeurotium hygrophilum	0,005
Ascomycota	Sordariomycetes	Hypocreales	Nectriaceae	Cylindrocladiella	Cylindrocladiella pseudocamelliae	0,004
Ascomycota	Eurotiomycetes	Eurotiales	Aspergillaceae	Penicillium	-	0,004

DISCLAIMERS



DISCLAIMER 1.0

Este não é um teste diagnóstico, o índice de Qualidade Geral é um indicativo de equilíbrio da microbiota intestinal. Baixa qualidade não indica diagnóstico de doença ou de sintoma. Diversos outros fatores contribuem para desenvolvimento de doenças além da microbiota.

DISCLAIMER 1.1

Este não é um teste diagnóstico, e a classificação em PERFIL DE COMUNIDADE MICROBIANA VAGINAL (CST's) não indicam diagnósticos de doenças correlacionadas. CSTs podem apresentar alterações ao longo do tempo causadas por dieta, antibioticoterapia e diversos outros fatores. As associações encontradas são apenas um indicativo do estado de disbiose vaginal, não um teste diagnóstico. Qualquer perfil de risco observado não indica diagnóstico de doença ou de sintoma. Diversos outros fatores contribuem para desenvolvimento de doenças além da microbiota. Risco muito baixo indica que os fatores microbiológicos avaliados não foram observados, outros fatores podem desencadear a respectiva doença mesmo sem o fator microbiológico indicativo.

DISCLAIMER 1.2

Este não é um teste diagnóstico, e não é um exame de cultivo microbiológico. A detecção e quantificação de potenciais patógenos é realizada por sequenciamento de DNA. As tags indicativas de risco não representam notação de unidades formadoras de colônias. As tags de risco moderado ou alto não indicam diagnóstico da doença ou dos sintomas. Diversos outros fatores contribuem para desenvolvimento de doenças além da presença do patógeno.